Modulbezeichnung	**Angewandte Proteomik**
Semester	WPM
ECTS-Punkte (Dauer)	10 (1 Semester)
Art	Wahlpflichtmodul
Studentische Arbeitsbelastung	60 h Kontaktzeit + 240 h Selbststudium
Voraussetzungen (laut BPO)	
Empf. Voraussetzungen	
Verwendbarkeit	DEL
Prüfungsform und -dauer	Klausur 1,5h oder mündliche Prüfung
Lehr- und Lernmethoden	Seminar, Praktikum
Modulverantwortlicher	T. Schmidt

Qualifikationsziele
Die Studierenden können computergestützte Methoden und Tools zur Auswertung von High-Throughput Proteomics Experimenten anwenden und sind mit den grundlegenden Konzepten vertraut. Der Focus der Veranstaltung liegt dabei auf der Auswertung größerer Messdatenmengen für die eine Anwendung von Auswertungssoftware hilfreich ist.

Lehrinhalte
Aufbau verschiedener Datensätze und Datenbanken; Umgang mit Webressourcen; Statistische Verfahren zur Qualitätskontrolle und zur Auswertung; Methoden und praktische Anwendung von Tools im Bereich Proteomics z.B. MaxQuant.

Literatur
Tyanova, S. et al, Visualization of LC-MS/MS proteomics data in MaxQuant. Proteomics 15 (8), 1453-6. (2015)
Cox, J. et al, A practical guide to the MaxQuant computational platform for SILAC-based quantitative proteomics. Nature Protocols 4, 698-705. (2009)

Lehrveranstaltungen

Dozent	**Titel der Lehrveranstaltung**	**SWS**
T. Schmidt	Applied Proteomics	4